

Биология

УДК 577.113.6

А. Г. ДАВТЯН

**ВЗАЙМОДЕЙСТВИЕ БРОМИСТОГО ЭТИДИЯ С СИНТЕТИЧЕСКИМ
ГОМОПОЛИНУКЛЕОТИДОМ poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)]**

Получены кривые связывания бромистого этидия (БЭ) с двухцепочечным (дц) и одноцепочечным (оц) полинуклеотидом poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] в координатах Скетчарда. Выявлено, что БЭ с дц-poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] взаимодействует, по меньшей мере, двумя способами. Обнаружено, что БЭ образует комплексы двумя способами также с оц-poly[d(A-T)]. Получены значения К – константы связывания и n – числа оснований, приходящихся на одно место связывания для этих комплексов. Выявлено, что параметры связывания БЭ с дц- и оц-poly[d(A-T)] совпадают с таковыми, полученными для комплексов БЭ с В-ДНК.

Теоретические и экспериментальные данные указывают на то, что бромистый этидий (БЭ) может с В-ДНК образовывать несколько типов комплексов одновременно [1–3]. При этом выявлено, что с двухцепочечным (дц) ДНК этот лиганд образует, по крайней мере, три типа комплексов (интеркаляционный, полуинтеркаляционный и электростатический), а с одноцепочечным (оц) – два типа [3–7]. В работе [5] показано, что с синтетическим гомополинуклеотидом poly(dA)–poly(dT) БЭ взаимодействует кооперативно при низких температурах ($t \leq 25^{\circ}\text{C}$), а при значениях t , соответствующих предплавлению, т. е. при значении температуры, выше которой полинуклеотид начинает плавиться ($\approx 40^{\circ}\text{C}$), кооперативность исчезает. Структура poly(dA)–poly(dT) в водных растворах относится к В-конформационному семейству, однако имеются некоторые отличия от канонической В-формы [8]. В первую очередь, это является следствием большей гидратированности этого полинуклеотида, из-за чего малая бороздка более узкая, а молекула в целом – более жесткая, чем В-ДНК [5, 8]. Вследствие этого взаимодействие БЭ с этим полинуклеотидом носит кооперативный характер при указанных температурах.

Целью данной работы явилось сравнение термодинамических параметров взаимодействия БЭ с дц- и оц- гомополинуклеотидами poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] и poly(dA)–poly(dT).

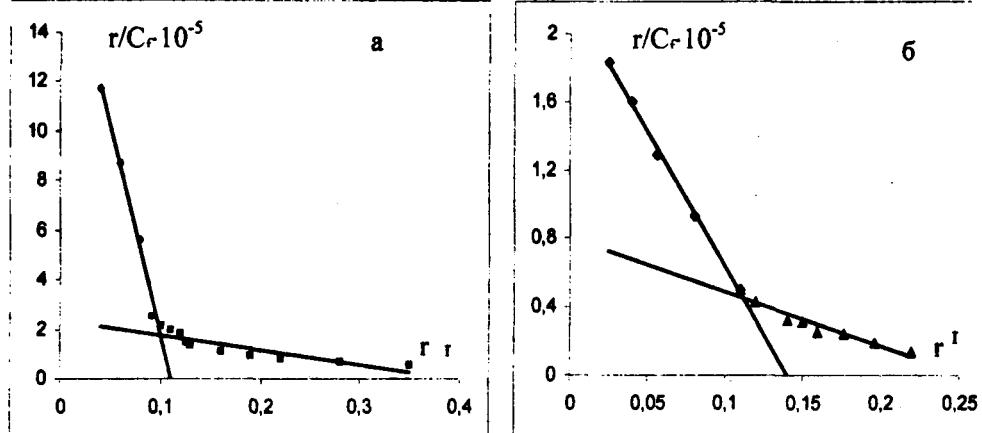
Материалы и методы. В работе были использованы следующие препараты: poly(dA)–poly(dT), poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] фирмы «*Sigma*» (США), БЭ «*Serva*» (Германия), $0,1 \times \text{SSC}$ ($1 \times \text{SSC} = 0,15M \text{NaCl}$ и $0,015M \text{Na}\text{-цитрат}$), этилендиаминететрауксусная кислота (ЭДТК) – $10^{-3}M$. Концентрации полинуклеотида и БЭ определяли спектрофотометрически, используя следующие коэффициенты экстинкции: $\epsilon_{260}=6000M^{-1}\text{cm}^{-1}$ для poly(dA)–poly(dT), $\epsilon_{260}=6600M^{-1}\text{cm}^{-1}$ для poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] и $\epsilon_{480}=5600M^{-1}\text{cm}^{-1}$ для БЭ.

Спектрофотометрические исследования проводились на спектрофотометре PYE *Unicam-SP 8-100* (Англия). Все измерения выполнялись в герметически закрытых кварцевых кюветах с длиной оптического пути в 1 см при температурах 25 и 70°C (где оба полинуклеотида в комплексе с БЭ находятся полностью в оц состоянии), $\mu = 2,0 \cdot 10^{-2} M [\text{Na}^+]$.

Изотермы адсорбции строили в координатах Скетчарда на основании спектров поглощения чистого БЭ и его комплексов с ДНК в интервале длины волны 400–600 нм, как и описано в работах [3, 4].

Результаты и обсуждение. При исследовании взаимодействий БЭ с синтетическими гомополинуклеотидами poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] и poly(dA)–poly(dT), структура которых представляет собой чередование АТ и А и Т оснований в каждой из цепей, нами показано, что кооперативность не обнаруживается при poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] [9], в то время как при poly(dA)–poly(dT) кооперативность очевидна [5, 9]. Более того, кривые связывания БЭ с этим полинуклеотидом в координатах Скетчарда, приведенные на рисунке, совпадают с аналогичными кривыми, полученными при взаимодействии БЭ с ДНК [3, 9], между тем кривые связывания БЭ с poly(dA)–poly(dT) и ДНК отличаются [5]. На рисунке приведены кривые связывания БЭ с ди-*poly*[d(A-T)]–*poly*[d(A-T)] (а), которые нелинейны и состоят из двух прямолинейных участков, соответствующих двум типам комплексов. Из этих кривых получены термодинамические параметры (K и n) методом итерации теоретической зависимости для некооперативного связывания лигандов с ДНК [10]. Значения K и n , полученные для двух способов связывания БЭ с ди-*poly*[d(A-T)]–*poly*[d(A-T)], приведены в табл. 1, из которых видно, что указанный полинуклеотид имеет структуру, характерную для В-ДНК, при этом значение K_s , соответствующее интеркаляционному способу связывания, больше, чем значение K_s , оцененное в работах [5, 6] для комплексов БЭ–ди-poly(dA)–poly(dT) (табл. 2). По всей вероятности, это различие обусловлено тем, что молекулы poly(dA)–poly(dT) более гидратированы по сравнению с poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] и ДНК, вследствие чего затрудняются включение гидрофобного хромофора молекулы БЭ в плоскость пар оснований полинуклеотида и образование стекинг-связей с ними. Известно, что стекинг-взаимодействия стабилизируются как вандерваальсовыми, так и гидрофобными силами, поэтому интеркаляция первой молекулы лиганда приводит к нарушению гидратной оболочки, а также к раскручиванию спирали, которая меняется в структуре, и интеркаляция для других

молекул БЭ облегчается [8]. Так как poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] менее гидратирован и его структура соответствует канонической В-форме, интеркаляция молекул БЭ практически не зависит от этого фактора и кооперативность не наблюдается.



Кривые связывания БЭ с дц-poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] при $t=25^{\circ}\text{C}$ (а) и оц-poly[d(A-T)] при $t=70^{\circ}\text{C}$ (б) в координатах Скетчарда при $\mu=2,0 \cdot 10^{-2} M [\text{Na}^+]$. Кривые состоят из двух прямолинейных участков, соответствующих двум способам связывания.

В работах [1, 4, 7] показано, что БЭ может связываться и с оц-полинуклеотидами, по крайней мере, двумя способами. Кривая связывания БЭ с оц-poly[d(A-T)], приведенная на рисунке (б), нелинейна; с учетом данных [1, 4, 7] анализ этой кривой проводился исходя из того, что имеют место два типа взаимодействия. Из полученной кривой определены значения параметров связывания – K и n (см. табл. 1). Величины констант K , оцененные для сильного и слабого способов связывания БЭ с дц-poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)], отличаются друг от друга почти в 30 раз ($K_s/K_w \approx 30$, K_s – константа связывания сильным способом, K_w – слабым). Это находится в хорошем соответствии с данными, полученными для комплексов БЭ–дц-ДНК тимуса теленка (см. [3]), в то время как для комплексов БЭ–дц-poly(dA)–poly(dT) $K_s/K_w \approx 2$ (см. [6] и табл. 2). Этот факт также является косвенным подтверждением структурных различий дц-poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] и дц-poly(dA)–poly(dT), что приводит к разным механизмам взаимодействия с БЭ. При связывании БЭ с оц-poly[d(A-T)] и с оц-poly(dA) или poly(dT) $K_s/K_w \approx 5-6$, откуда видно, что в оц состоянии исчезает структурное различие между двумя полинуклеотидами, поэтому значения K и n , соответствующие обоим, совпадают, причем один из этих способов является сильным (табл. 1 и 2). Также показано, что БЭ может образовывать сильные комплексы полуинтеркаляционным механизмом с оц-ДНК. Следовательно, полагаем, сильный способ связывания БЭ с оц-poly[d(A-T)] соответствует данному механизму, так как значение K_s при этом совпадает со значением K , оцененным при полуинтеркаляционном способе взаимодействия БЭ и с ДНК, и с оц-poly(dA) или оц-poly(dT) [3, 4, 6].

Значение n , соответствующее интеркаляционному способу связывания, существенно отличается от такового, полученного для комплексов БЭ–poly(dA)–poly(dT), и совпадает с данными, полученными для БЭ ДНК, что также является следствием структурных особенностей poly(dA)–poly(dT).

Таблица 1

Значения параметров связывания K и n при взаимодействии БЭ с дн- и он-poly(dA-T)]

ди-poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)]			
$K_s \cdot 10^{-5}$	$K_w \cdot 10^{-5}$	n_s	n_w
$40 \pm 0,08$	$1,33 \pm 0,35$	9	3,5
он-poly[d(A-T)]			
$K_s \cdot 10^{-5}$	$K_w \cdot 10^{-5}$	n_s	n_w
$1,63 \pm 0,07$	$0,31 \pm 0,07$	8	4

Таблица 2

Значения параметров связывания K и n при взаимодействии БЭ с дн- и он-poly(dA)–poly(dT)

ди-poly(dA)–poly(dT)			
$K_s \cdot 10^{-5}$	$K_w \cdot 10^{-5}$	n_s	n_w
$7,0 \pm 0,01$	$3,05 \pm 0,05$	10	18
он-poly(dA)/он-poly(dT)			
$K_s \cdot 10^{-5}$	$K_w \cdot 10^{-5}$	n_s	n_w
$1,7 \pm 0,1$	$0,29 \pm 0,1$	8	4

K_s и K_w – значения, соответствующие сильному и слабому способам связывания соответственно;

n_s и n_w – числа оснований, приходящиеся на одно место связывания сильным и слабым способами соответственно.

Таким образом, вышеприведенные результаты подтверждают, что комплексообразование БЭ с ДНК зависит от пурин-тиимиинидинуклеотидов последовательностей [8]. Более того, для обоих синтетических полигиоксиполиэфиров, состоящих из однотипных оснований, выявлены существенные структурные отличия, влияющие на особенности их взаимодействия с лигандом БЭ.

Конференция биофизики

Послуживала 14.05.2003

ЛИТЕРАТУРА

1. Карапетян А.Т., Матенасян Н.М., Терзян Г.А., Vandervanroy P.O., Antonyan A.P., Волкова О.Ф., Frank-Kamenetskii M.D. – J. Biol. Struct. Dynam., 1996, v. 14, № 2, p. 271–285.
2. Vandervanroy P.O., Antonyan A.P., Manukyan G.A., Карапетян А.Т. – Experimental and Molecular Medicine, 2001, v. 33, № 4, p. 205–208.
3. Vandervanroy P.O., Antonyan A.P., Minaschekyan L.A., Карапетян А.Т. Some aspects of DNA-BE interaction peculiarities. The Genome and Beyond: Structural Biology for Medicine, 2002. Advances in Rheumatology: Miami, Florida, USA, p. 17–18.

4. Вардеванян П.О., Антонян А.П., Манукян Г.А., Карапетян А.Т., Щелкина А.К., Борисова О.Ф. – Мол. биол., 2000, т. 34, вып. 2, с. 310–315.
5. Тищенко Е.И., Карапетян А.Т., Борисова О.Ф. – Мол. биол., 1996, т. 30, вып. 6, с. 1370–1377.
6. Борисова О.Ф., Щелкина А.А., Карапетян А.Т., Суровая А.Н. – Мол. биол., 1998, т. 32, с. 855–862.
7. Веселков А.Н., Барабановский С.Ф., Дымант Л.Н., Петренко Н.В., Веселков Д.А., Такер А., Дэвис Д.Б. – Мол. биол., 1997, т. 31, № 2, с. 263–273.
8. Зенгер В. Принципы структурной организации нуклеиновых кислот. Под редакцией акад. Вайнштейна Б.К. М.: Мир, 1987, 584 с.
9. Антонян А.П. Мультимодальное взаимодействие лигандов с ДНК: Автореф. дис. на соискание уч. ст. канд. биол. наук. Ер.: ЕГУ, 1998.
10. Бабаян Ю.С. – Биополимеры и клетка, 1989, т. 5, № 3, с. 79–82.

Հ. Գ. ԴԱՎՏՅԱՆ

**Poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] ՍԻՆԹԵՏԻԿ ՀՈՄՈՊՈԼԻՆՈՒԿԼԵՈՏԻԴԻ ՀԵՏ
ԷԹԻԴԻ ԽՈՒՄԲՐՈՍԻԴԻ ՓՈԽԱԶԴԴԵՑՈՒԹՅՈՒՆԸ**

Ամփոփում

Ստացվել են երկշղթա և միաշղթա poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] պոլինուկլեոտիդի հետ էթիդիումբրոմիդի (ԷԲ) փոխազդեցության կորերը Սկետչարդի կոօրդինատներով: Պարզվել է, որ երկշղթա poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)]-ի հետ ԷԲ-ը փոխազդում է առնվազն երկու եղանակով: Հայտնաբերվել է, որ ԷԲ-ը միաշղթա poly[d(A-T)]-ի հետ ևս արաջացնում է կոմպլեքսներ երկու եղանակով: Ստացվել են K-ի՝ կապման հաստատունի և n-ի՝ կապման տեղին համապատասխանող հիմքերի քվի արժեքները: Պարզվել է, որ ԷԲ-ի հետ երկշղթա և միաշղթա poly[d(A-T)]-ի կապման պարամետրերը համընկնում են ԷԲ–Բ–ԴՆԹ կոմպլեքսների համար ստացված պարամետրերի հետ:

H. G. DAVTYAN

INTERACTION OF ETIDIUM BROMIDE WITH SYNTHETIC HOMOPOLINUCLEOTIDE poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)]

Summary

Curves of Etidium Bromide binding with single- and double stranded polynucleotide poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] were obtained in Scatchard coordinates. It was revealed that EtBr binds to double stranded poly[d(A-T)]–poly[d(A-T)] in two ways. Furthermore, EtBr may form two type complexes with one stranded poly[d(A-T)]. Values of K – binding constant and n – number site size for these complexes were obtained. Parameters of EtBr binding with single stranded and double stranded polynucleotide poly[d(A-T)] coincide with those for EtBr–B–DNA complexes